АССОЦИАЦИЯ ПОЛИМОРФИЗМОВ ГЕНОВ ФОЛАТНОГО ЦИКЛА СО СТЕПЕНЬЮ ТЯЖЕСТИ АНЕМИИ У ДЕВУШЕК РАННЕГО РЕПРОДУКТИВНОГО ВОЗРАСТА

Г.У. Султанмуратова[1], С.А. Матьякубова[2]

[1]Ташкентский государственный медицинский университет

[2]Ургенчский государственный медицинский институт

Актуальность. Анемия широко распространена среди женщин репродуктивного возраста и может оказывать неблагоприятное влияние на репродуктивное здоровье. Наряду с нутритивными и соматическими факторами интерес представляет изучение генетических вариантов, способных модифицировать выраженность анемического синдрома. Особое значение имеет оценка полиморфных вариантов генов фолатного цикла, поскольку их возможная связь может проявляться не столько в формировании самого факта анемии, сколько в особенностях ее клинико-гематологического фенотипа и степени тяжести.

Цель исследования — оценить связь полиморфизмов MTHFR C677T, MTHFR A1298C, MTR A2756G и MTRR A66G со степенью тяжести анемии.

Материалы и методы. Молекулярно-генетический этап исследования проведен среди девушек раннего репродуктивного возраста 18–25 лет. В исследование включены 142 девушки с лабораторно подтвержденной анемией: легкая степень установлена у 33, средняя — у 77, тяжелая — у 32 обследованных. Проведен анализ распределения генотипов изучаемых полиморфизмов в зависимости от степени тяжести анемии.

Результаты. Для полиморфизма MTHFR C677T достоверной связи с тяжестью анемии не выявлено (χ^2=2,21; p=0,698). При этом частота генотипа C/C увеличивалась с 39,4% при легкой анемии до 53,1% при тяжелой. Для MTHFR A1298C отмечена более выраженная тенденция: частота генотипа A/A снижалась с 63,6% до 43,8%, тогда как C/C возрастала с 3,0% до 15,6%. Общее распределение генотипов находилось на границе статистической значимости (χ^2=9,36; p=0,053). Наиболее значимые различия выявлены для MTR A2756G. Распределение генотипов достоверно различалось в зависимости от тяжести анемии (χ^2=13,28; p=0,010). Генотип A/G встречался у 44,2% девушек со средней степенью анемии против 15,2% при

легкой и 25,0% при тяжелой (χ^2=10,00; p=0,007). Для MTRR A66G статистически значимой связи не установлено (χ^2=5,27; p=0,261), хотя генотип G/G чаще встречался при тяжелой анемии — 37,5% против 22,1% при средней степени.

Заключение. Наиболее выраженная ассоциация со степенью тяжести анемии установлена для полиморфизма MTR A2756G. Для MTHFR A1298C выявлена тенденция к изменению распределения генотипов по мере утяжеления анемического синдрома. Полученные данные позволяют рассматривать MTR A2756G как потенциальный генетический модификатор тяжести анемии у девушек раннего репродуктивного возраста.